

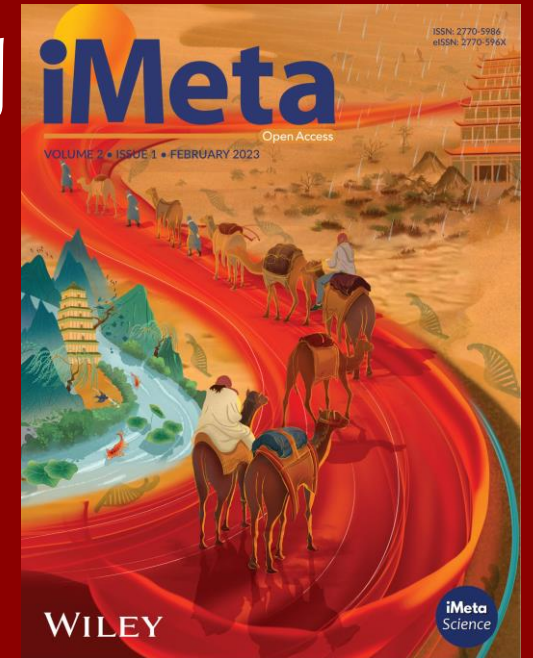


微科盟生科云(Wekemo Bioincloud): 一个专为宏组学数据设计的 用户友好型在线分析平台

高云云¹, 张国兴², 江舜尧², 刘永鑫¹

¹中国农业科学院深圳农业基因组研究所

²深圳微科盟科技集团有限公司



Yunyun Gao, Guoxing Zhang, Shunyao Jiang, Yong-Xin Liu. 2024. Wekemo Bioincloud: A user-friendly platform for meta-omics data analyses. *iMeta* 3: e175. <https://doi.org/10.1002/imt2.175>



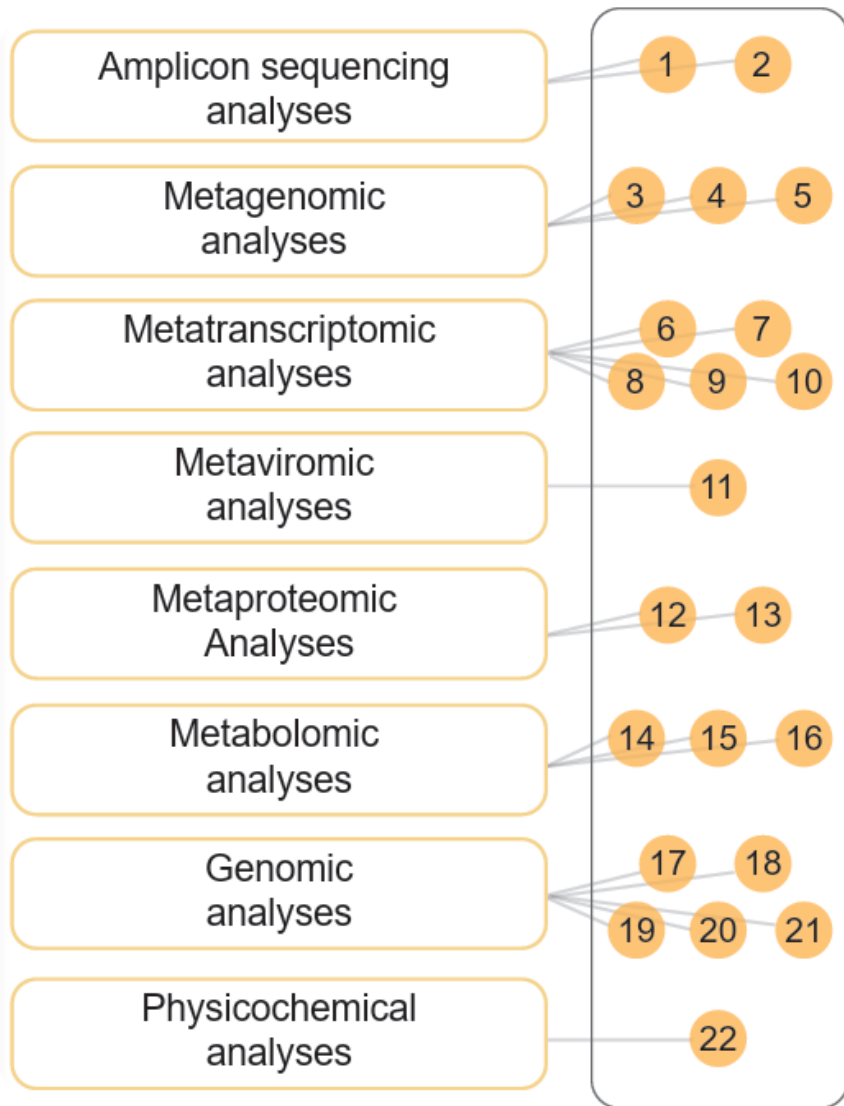
简介

Wekemo Bioincloud

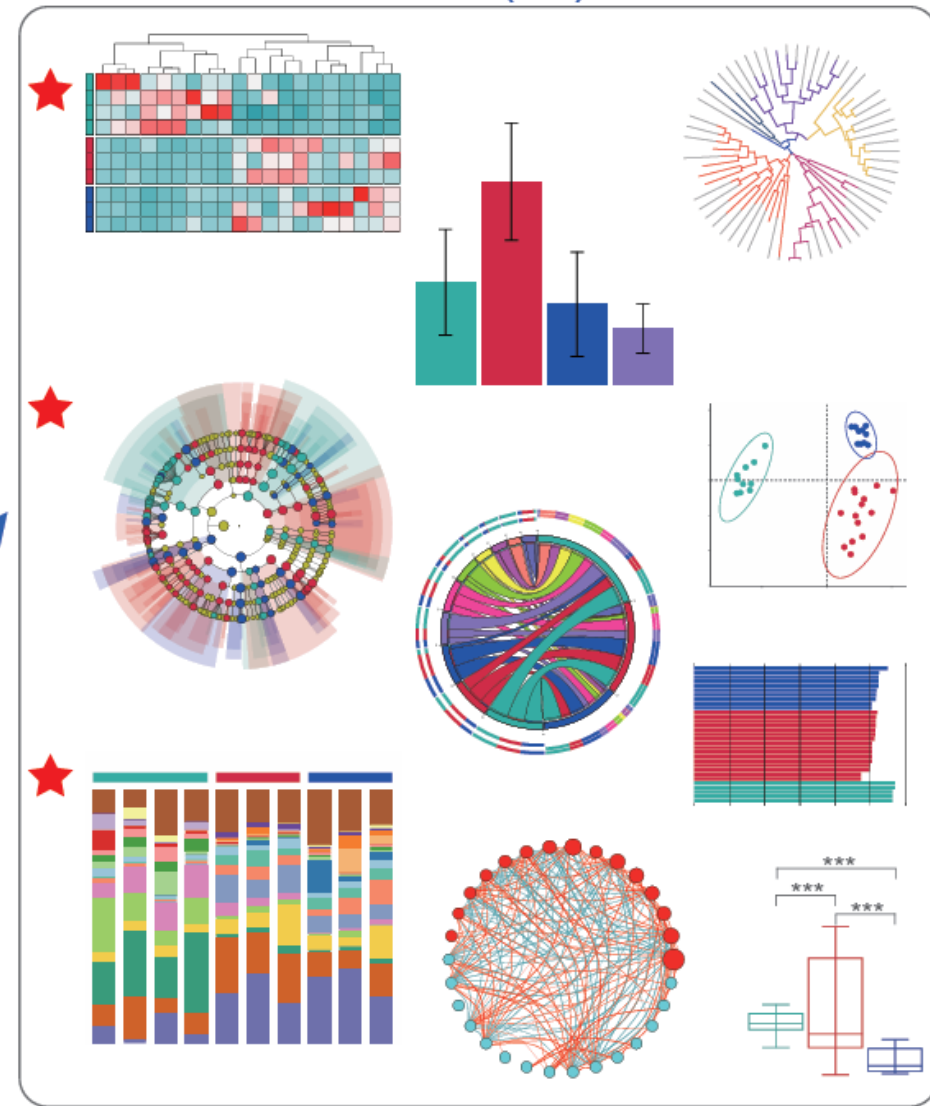
A user-friendly platform for meta-omics data analyses



Workflows (22)



Tools (65)



亮点



生科云, 助力科研

首页

SVG编辑器

生信视频

科研案例

注销登录



欢迎您!



云流程

云流程基本介绍

我的流程

查看和使用云流程

云工具

所有工具的索引

我的任务

云工具的任务状态

1

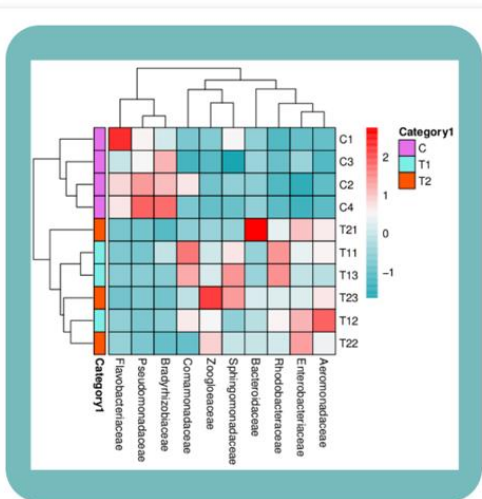
2

所有 基础统计 排序分析 显著性差异比较 相关分析 通路分析 进化分析 判别分析 机器学习 扩增子

宏基因组 代谢组 数据预处理 转录组 富集分析 菌类鉴定 格式转换 一键化流程

↓ 最热 ↓ 按类别排序 ↓ 最新 ↓ 最易

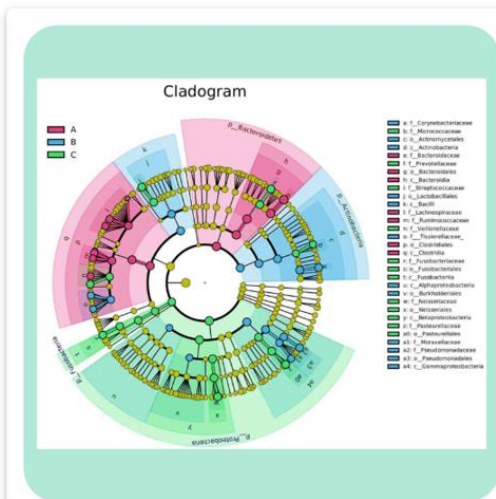
搜索工具



分组聚类热图 免费

热度: ♥♥♥♥♥ 5 (39451)

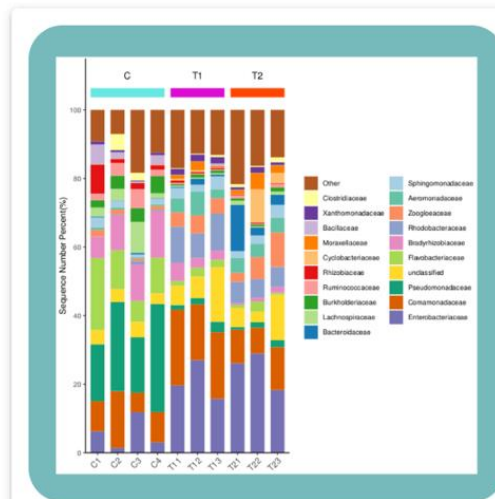
难度: ★★★★★ 1



LEfSe 免费

热度: ♥♥♥♥♥ 5 (38734)

难度: ★★★★★ 1



分组百分比堆积柱形图 免费

热度: ♥♥♥♥♥ 5 (36346)

难度: ★★★★★ 1

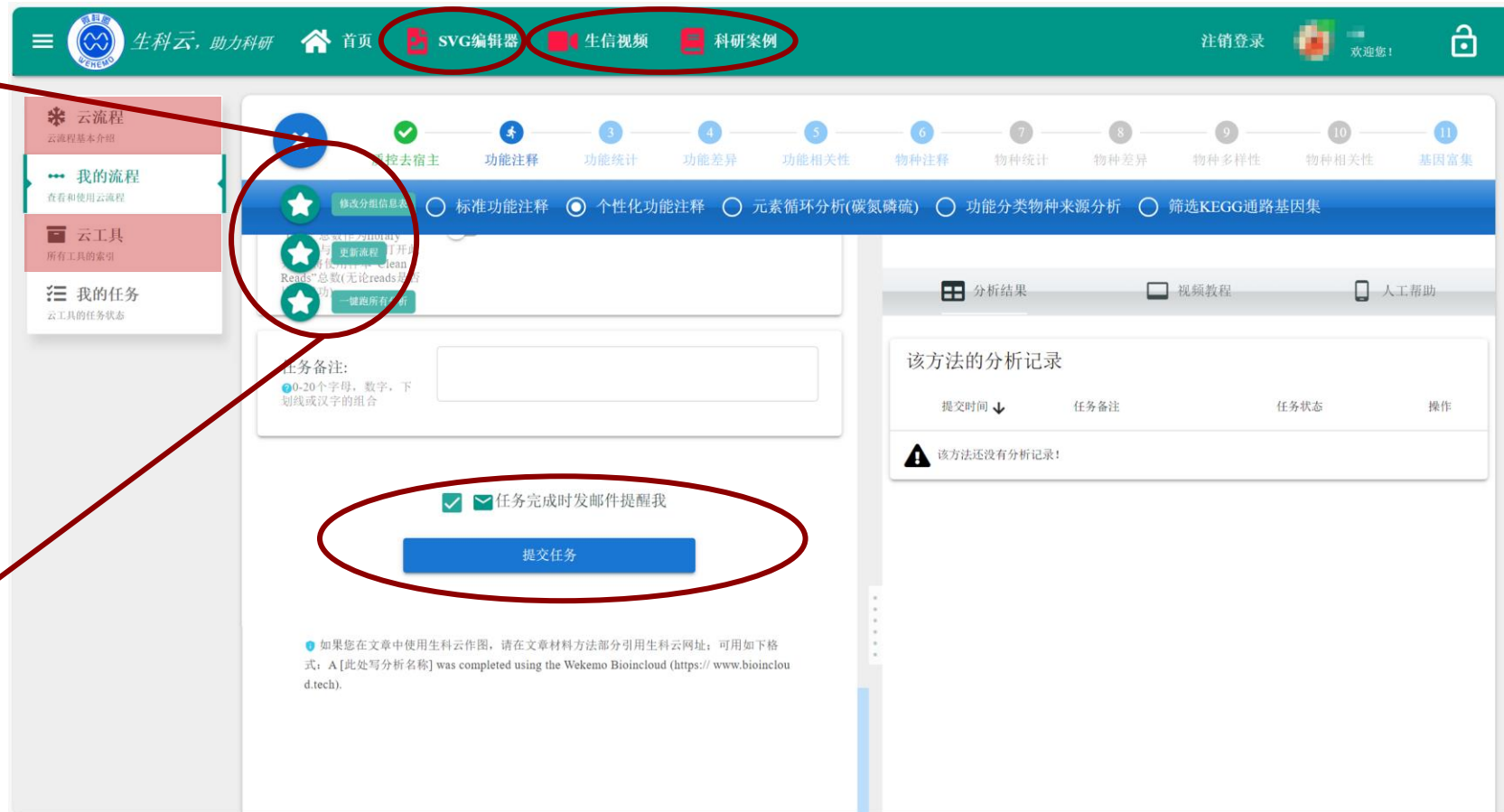
3

<https://www.bioincloud.tech/>



微科盟生科云平台概述

微科盟生科云平台主要包含两个主要模块：云流程和云工具。



<https://www.bioincloud.tech/>



云流程

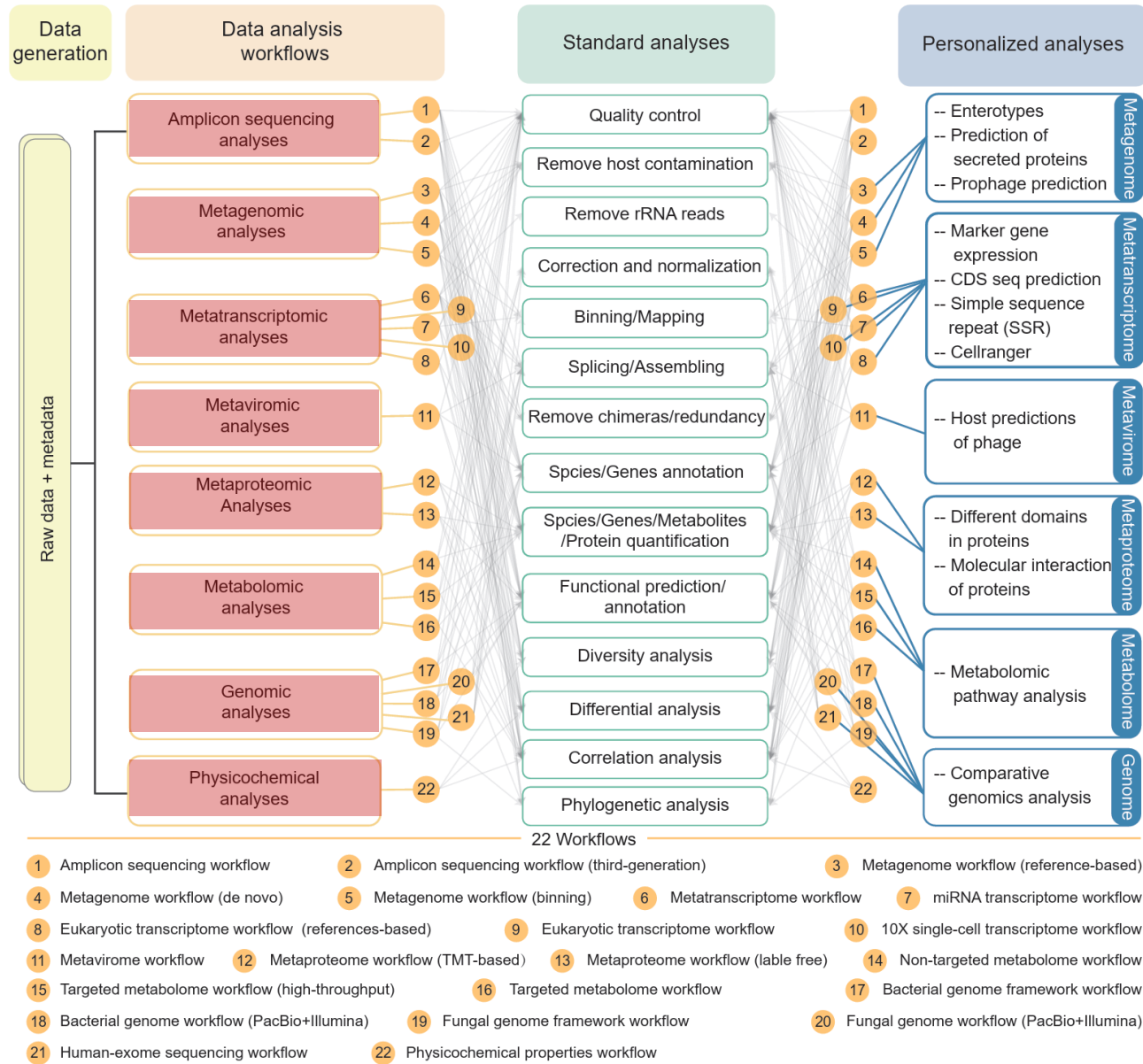


图1. 微科盟生科云22个云流程框架图



云工具

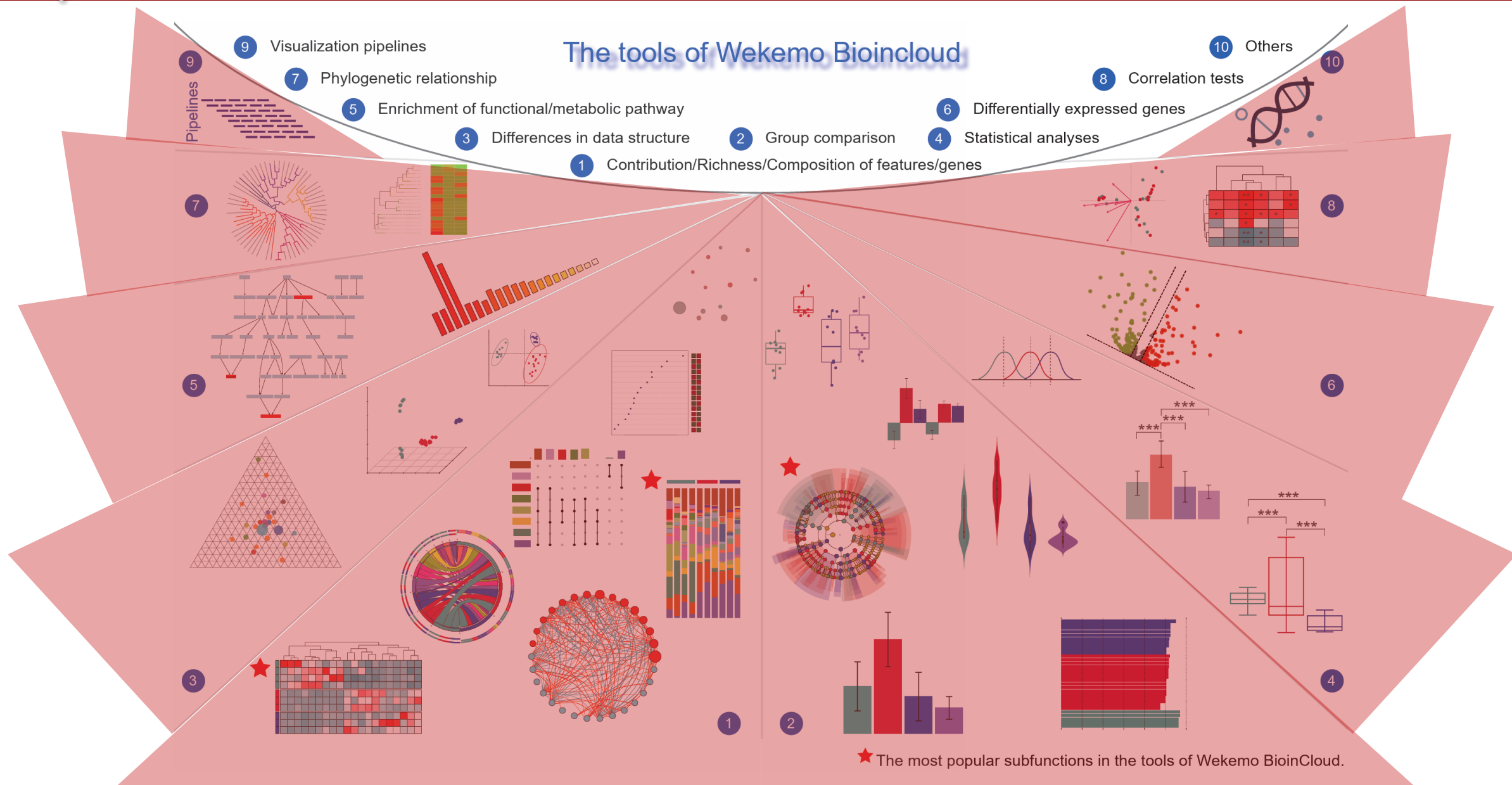


图2. 微科盟生科云的云工具可获图片部分示意图



案例一：宏基因组数据分析流程

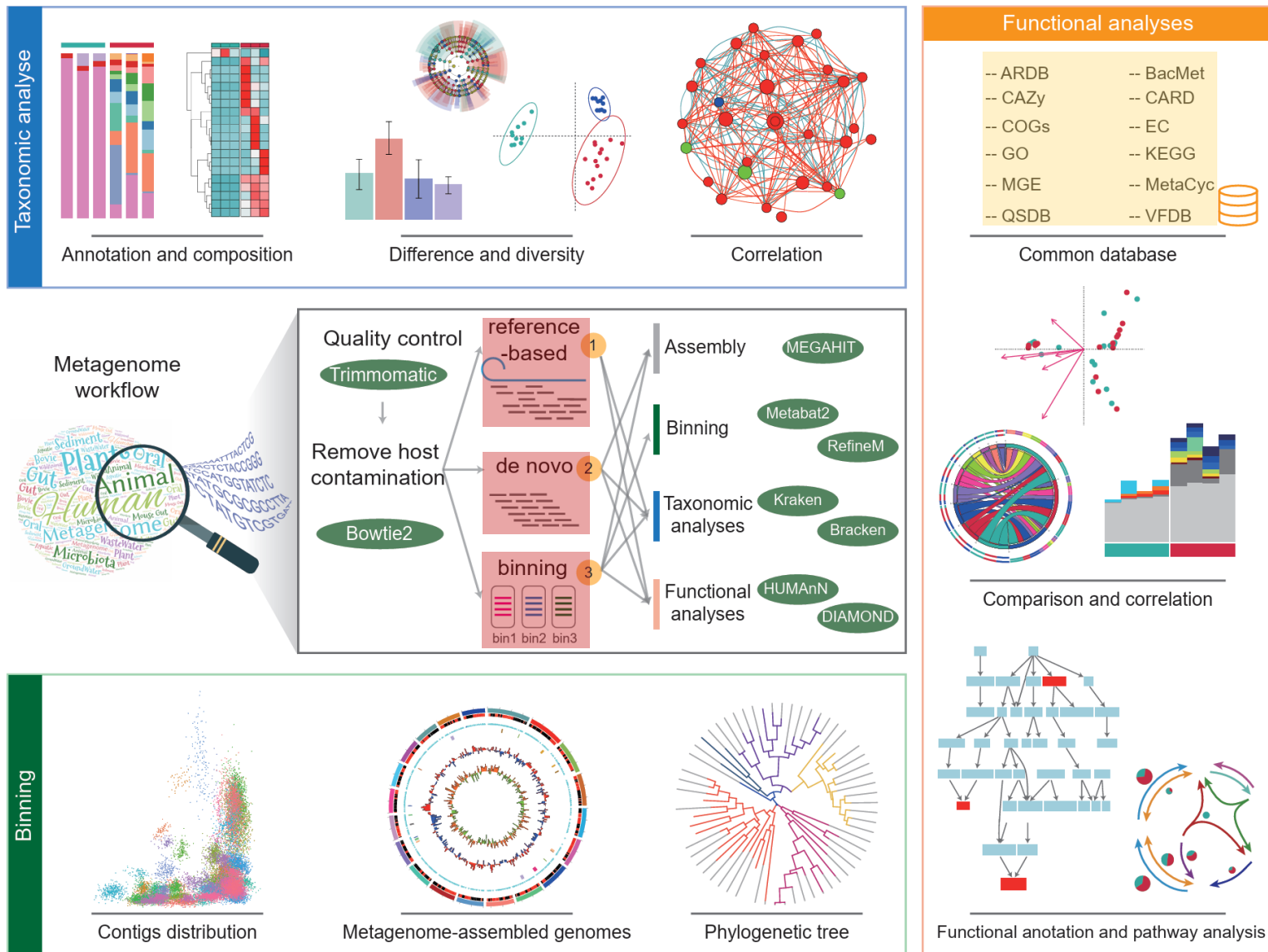
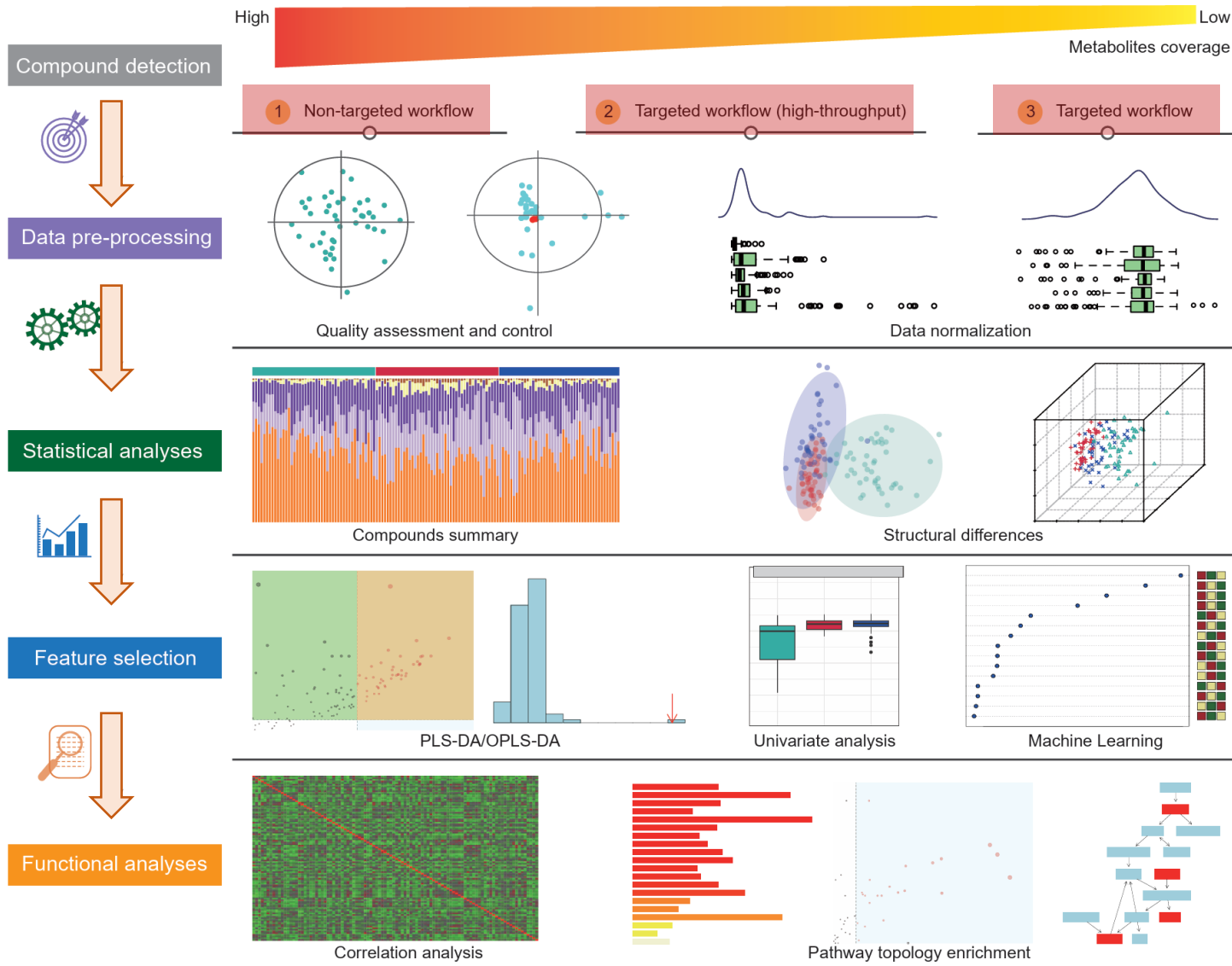


图3. 使用微科盟生科云平台开展宏基因组数据分析

案例二：代谢组学数据分析流程



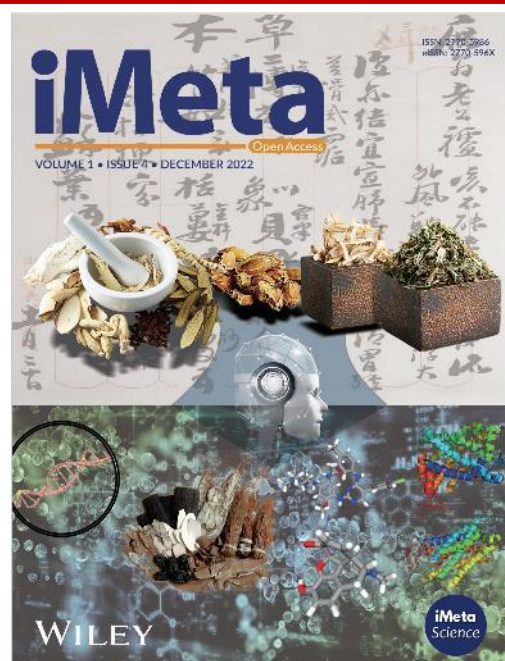
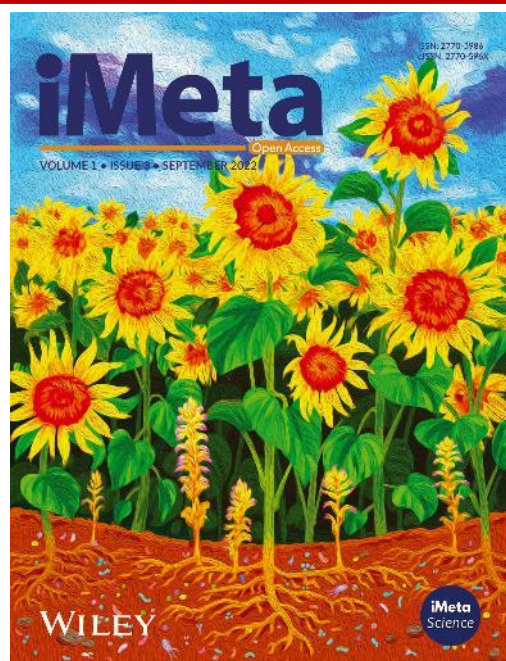
高通量靶向代谢数据库：
>2500种植物代谢物
~1800种动物代谢物

图4. 使用微科盟生科云平台开展代谢组数据分析



总结

- ❑ 在这项研究中，我们介绍了一个专为宏组学数据设计的用户友好型在线分析平台——微科盟生科云；
- ❑ 目前平台已配备了22个云流程和65个云工具，平台将持续更新，满足用户开展标准化和个性化的宏组学数据分析；
- ❑ 平台支持在线矢量图编辑、一键式运行、电子邮件提醒、工具热度分析、视频解读等功能，旨在方便用户访问和使用；
- ❑ 平台网址：<https://www.bioincloud.tech/>



“iMeta”由威立、肠菌分会和华人科学家出版的开放获取期刊，主编由中科院微生物所刘双江和荷兰格罗宁根大学傅静远教授共同担任。目的是发表原创研究、方法和综述以促进宏基因组学、微生物组和生物信息学发展。目标是发表前10%(IF>20)的高影响力论文。期刊特色包括视频投稿、可重复分析、图片打磨、青年编委、中英双语、50万用户的社交媒体宣传等。2022年2月发行，相继被ESCI、Google Scholar、DOAJ、Scopus等数据库收录，发文161篇，被引2316次(Dimension, 2024/2/19)!



主页: <http://www.imeta.science>

出版社: <https://wileyonlinelibrary.com/journal/imeta>



投稿: <https://wiley.atyponrex.com/journal/IMT2>



office@imeta.science



宣传片



[iMeta](#)

