



多倍化驱动自噬参与植物特异性功能

刘默洋^{1,2,3,4}, 杨鸣^{1,4}, 梁恒^{2,3}, 罗博特^{1,4}, 邓俊杰^{1,4},
曹凌雁⁵, 郑道君^{2,3}, 陈诚^{1,3,4}

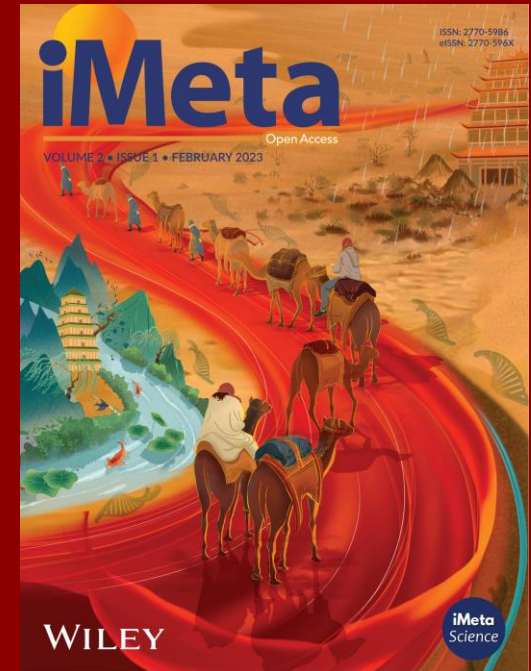
¹上海交通大学农业与生物学院

²海南省农业科学院热带园艺研究所

³上海交通大学海南研究院

⁴上海交通大学单细胞生物学联合研究中心

⁵上海交大学生命科学与技术学院

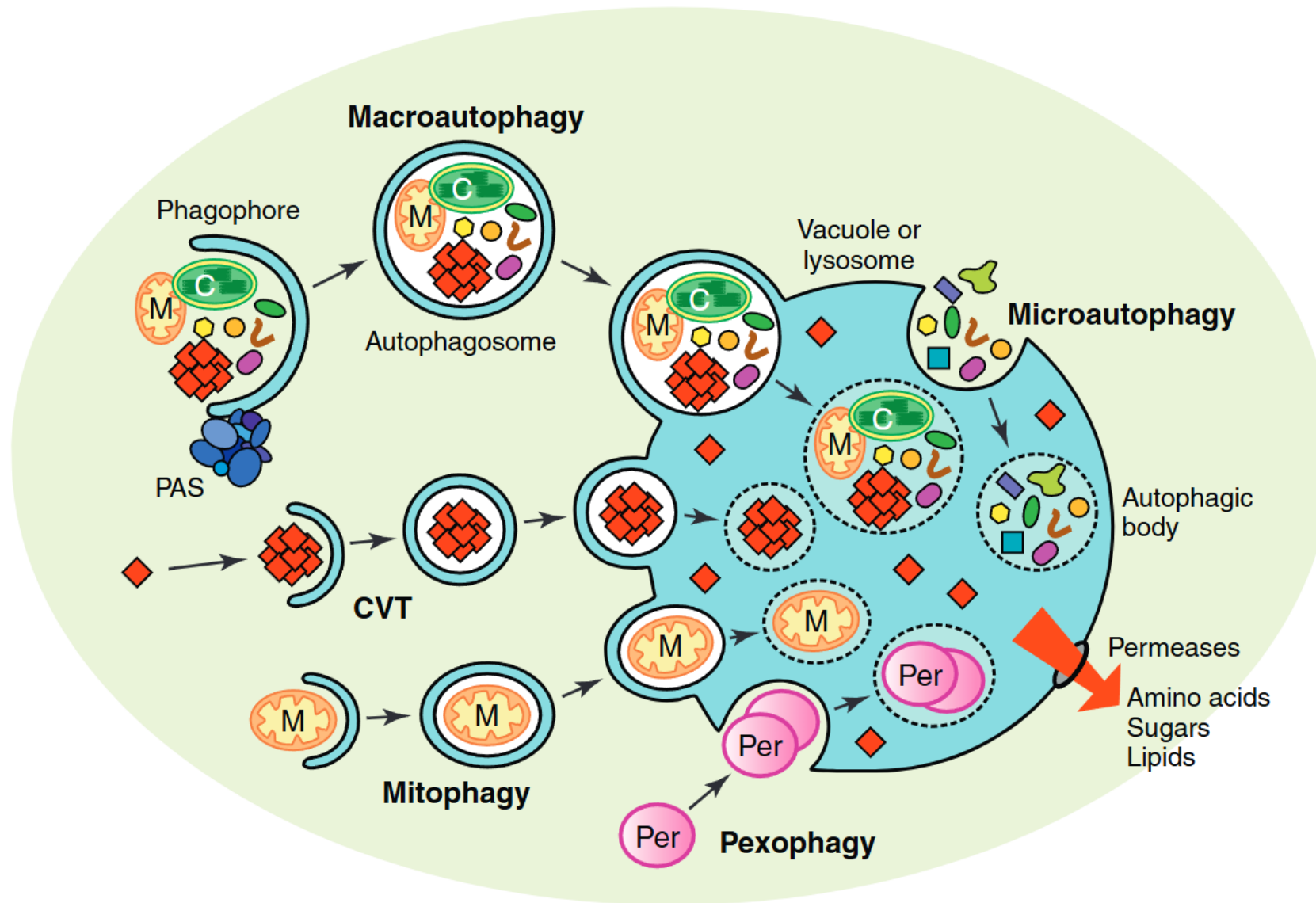


Moyang Liu, Ming Yang, Heng Liang, Bote Luo, Junjie Deng, Lingyan Cao, Daojun Zheng, Cheng Chen. 2024. Polyploidy drives autophagy to participate in plant-specific functions. *iMeta* 3: e252.

<https://doi.org/10.1002/imt2.252>



引言





鉴定核心自噬协同基因

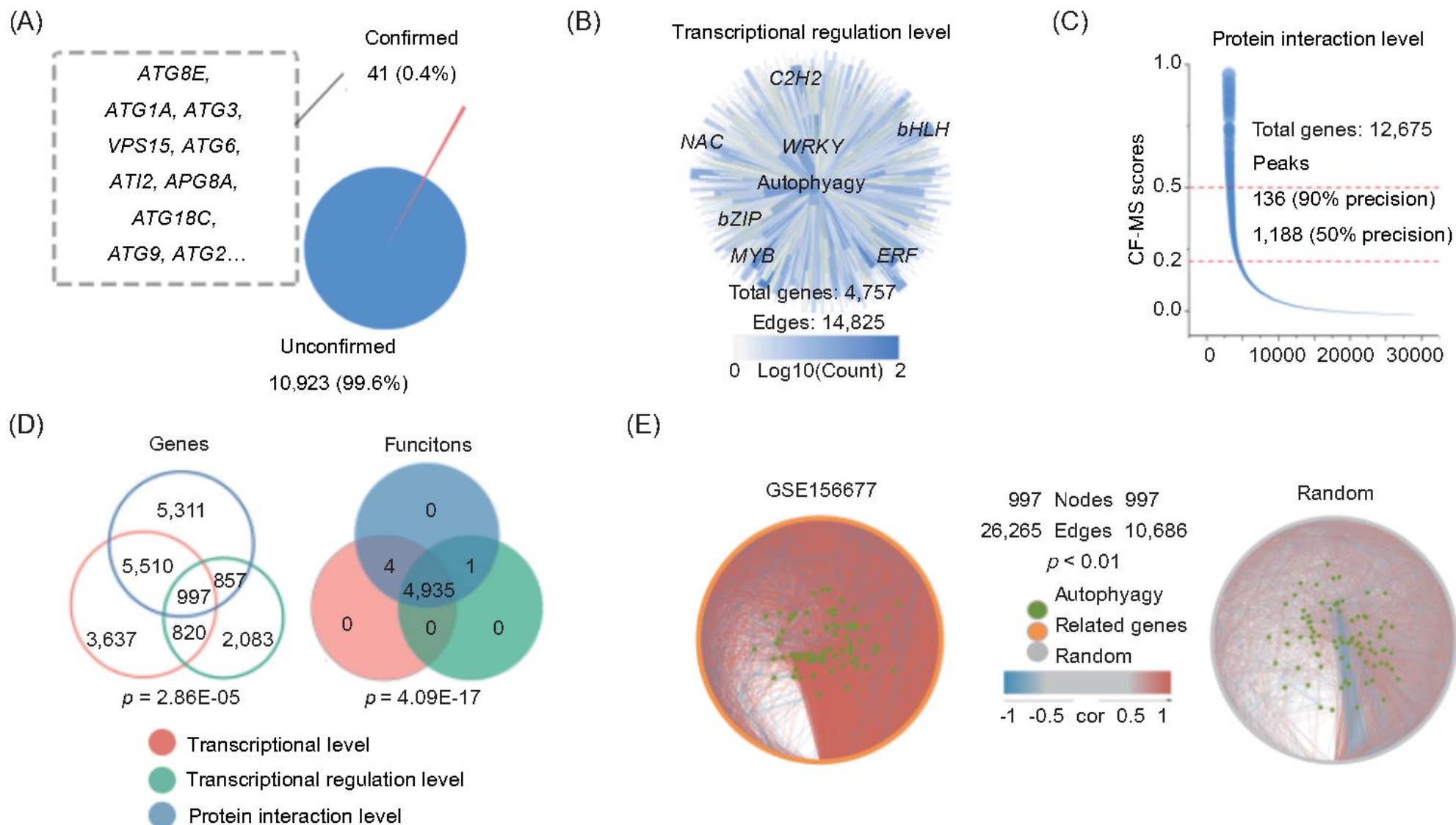


图1. 植物自噬的共功能网络



广泛鉴定核心自噬协同基因的同源物

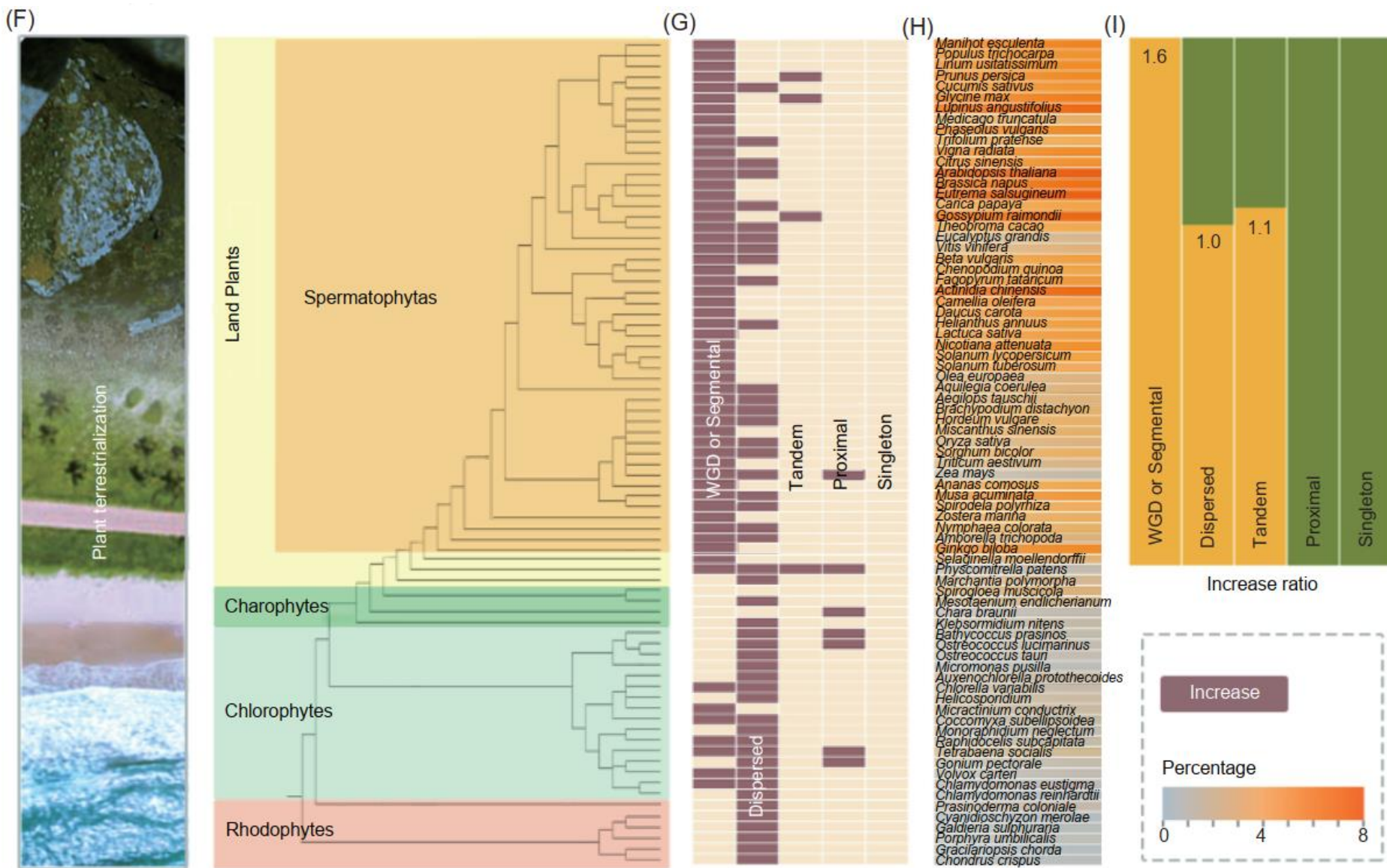


图1. 植物自噬的共功能网络

植物特有自噬协同功能的演化

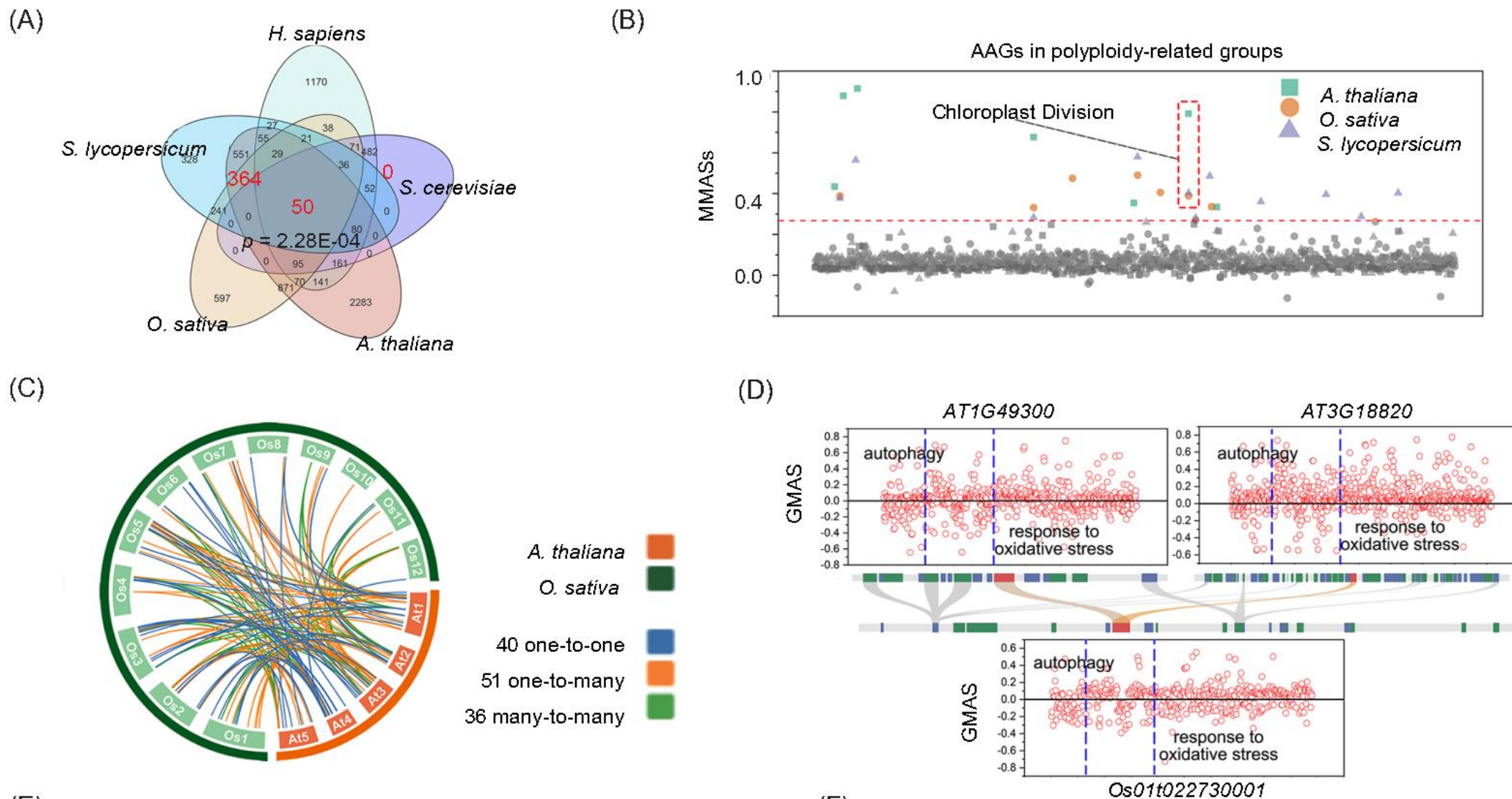
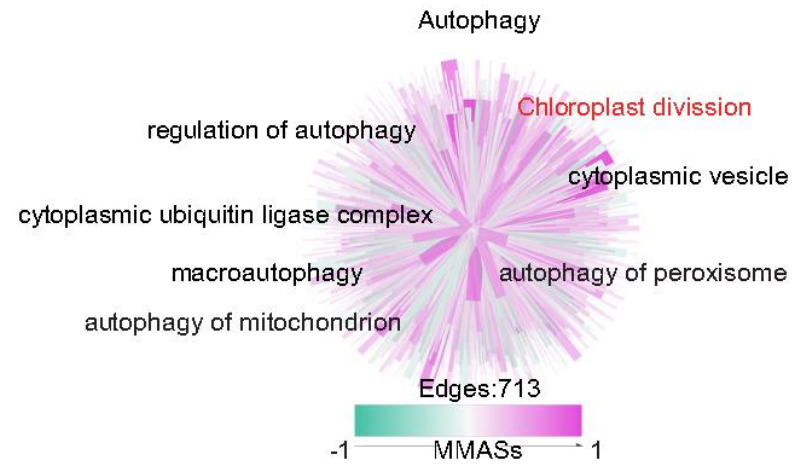


图2. 多倍化AAGs的功能分化

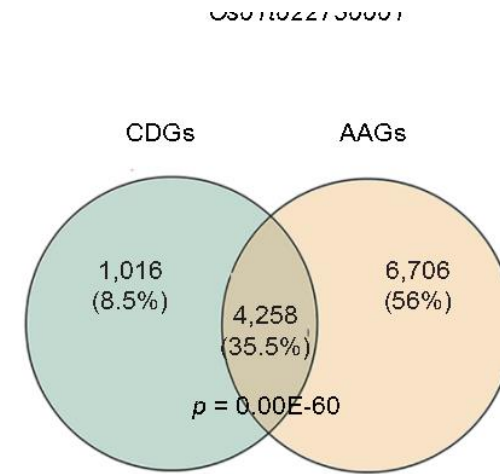


自噬与植物特有生物过程的关联线索

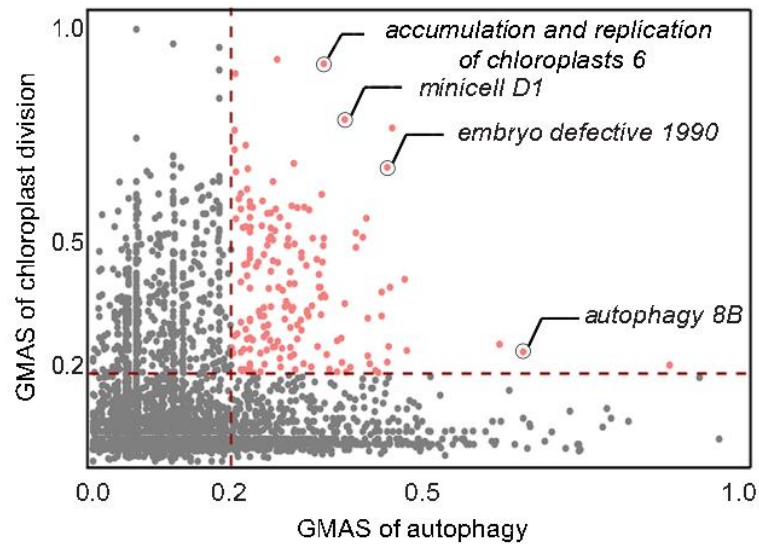
(E)



(F)



(G)



(H)

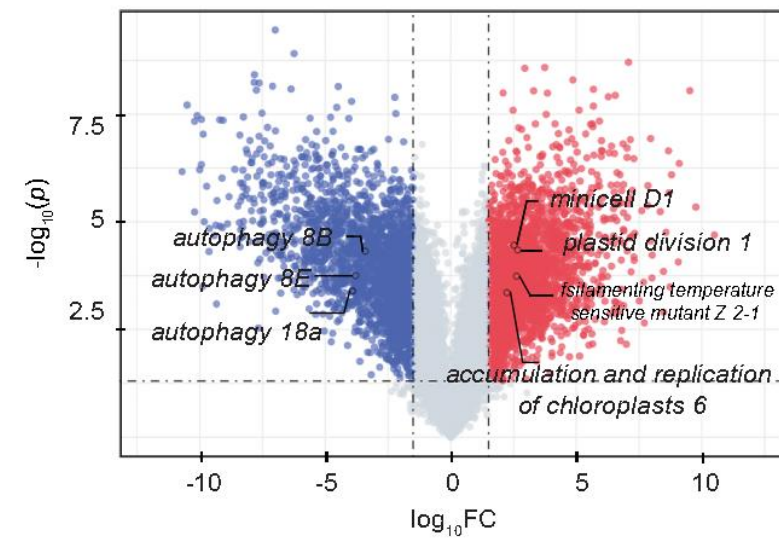
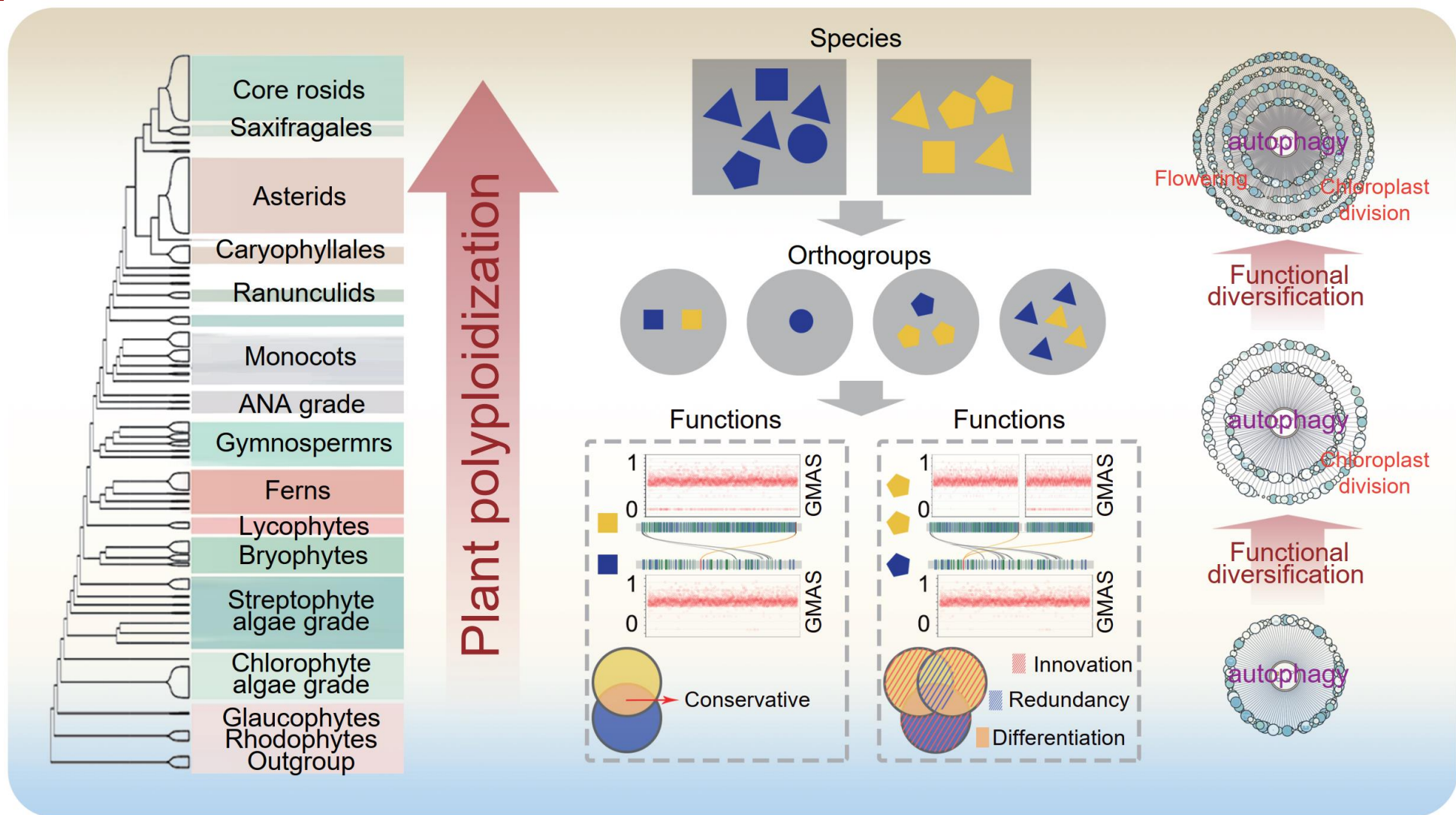


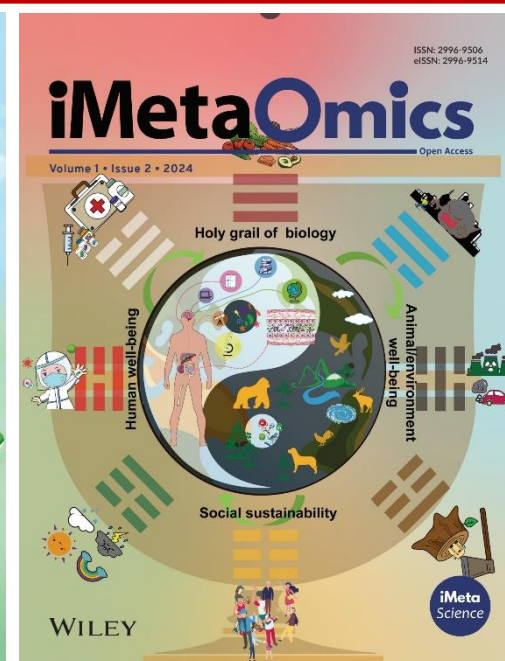
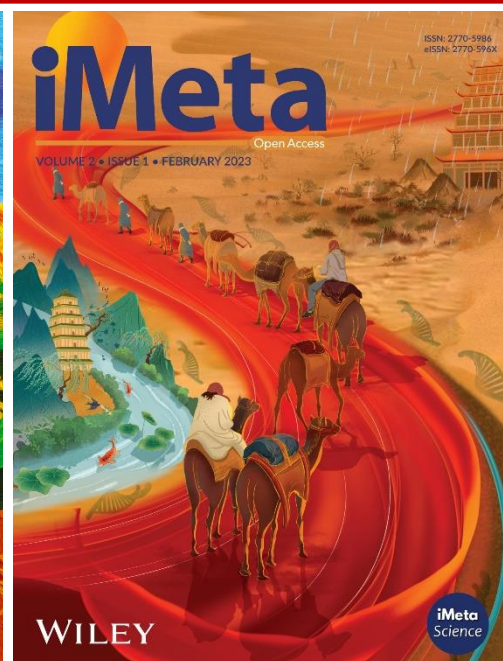
图2. 多倍化AAGs的功能分化



总结



Moyang Liu, Ming Yang, Heng Liang, Bote Luo, Junjie Deng, Lingyan Cao, Daojun Zheng, Cheng Chen. 2024.
Polyploidy drives autophagy to participate in plant-specific functions. *iMeta* 3: e252.
<https://doi.org/10.1002/imt2.252>



“**iMeta**” (影响因子**23.8**) 由威立、宏科学和千名华人科学家出版的期刊，主编刘双江和傅静远教授。
收稿范围：任何领域高影响力的研究、方法和综述，重点关注生物技术、生物信息和微生物组等；
影响力：[SCIE/WOS](#)、[PubMed](#)、[Google](#)、[Scopus](#)收录，**IF 23.8**位列**JCR微生物学研究期刊全球第一**；
时效性：外审平均21天；投稿至发表中位数57天；
“**iMetaOmics**” 主编赵方庆和于君教授，定位IF>10的高水平交叉学科综合期刊，欢迎投稿！

主页: <http://www.imeta.science>
出版社: <https://wileyonlinelibrary.com/journal/imeta>

 office@imeta.science
imetaomics@imeta.science

投稿: <https://wiley.atyponrex.com/journal/IMT2>
<https://wiley.atyponrex.com/journal/IMO2>

 宣传片

 [iMeta](#)

