



拟南芥多组学揭示了自噬 在根系微生物组组装中的作用

程珊，时云峰，胡伟明，刘芬
江西省、中国科学院庐山植物园



Shan Cheng, Yunfeng Shi, Weiming Hu , Fen Liu. 2024. *Arabidopsis* multi-omics reveals the role of autophagy in root microbiome assembly . **iMetaOmics** 1: e28. <https://doi.org/10.1002/imo2.128>



16S rRNA分析

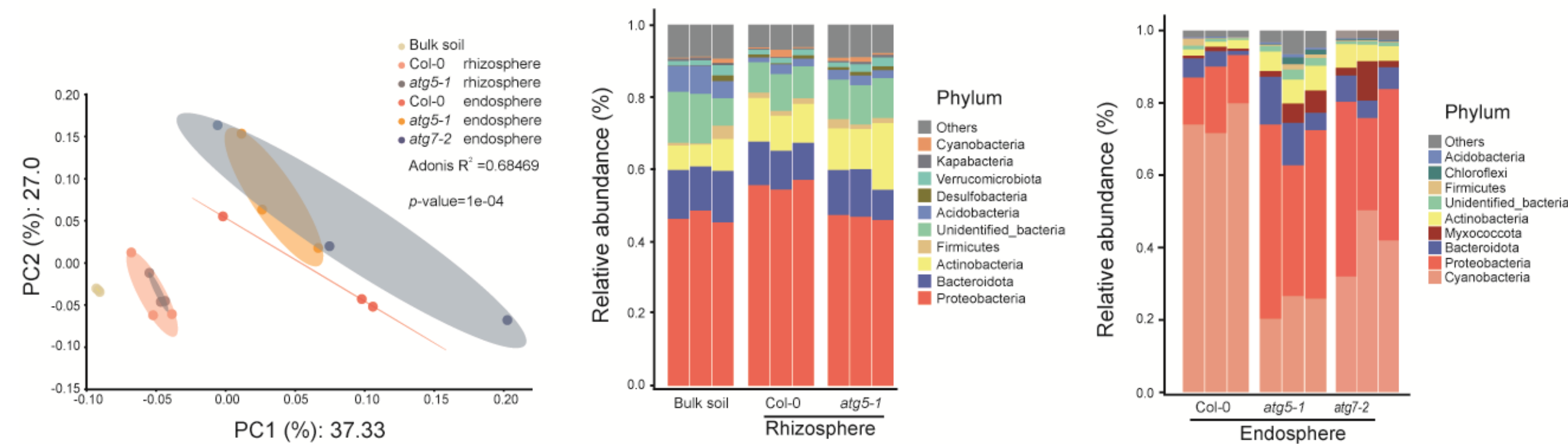


图1. 16S rRNA测序表明自噬显著影响根微生物群落的组成

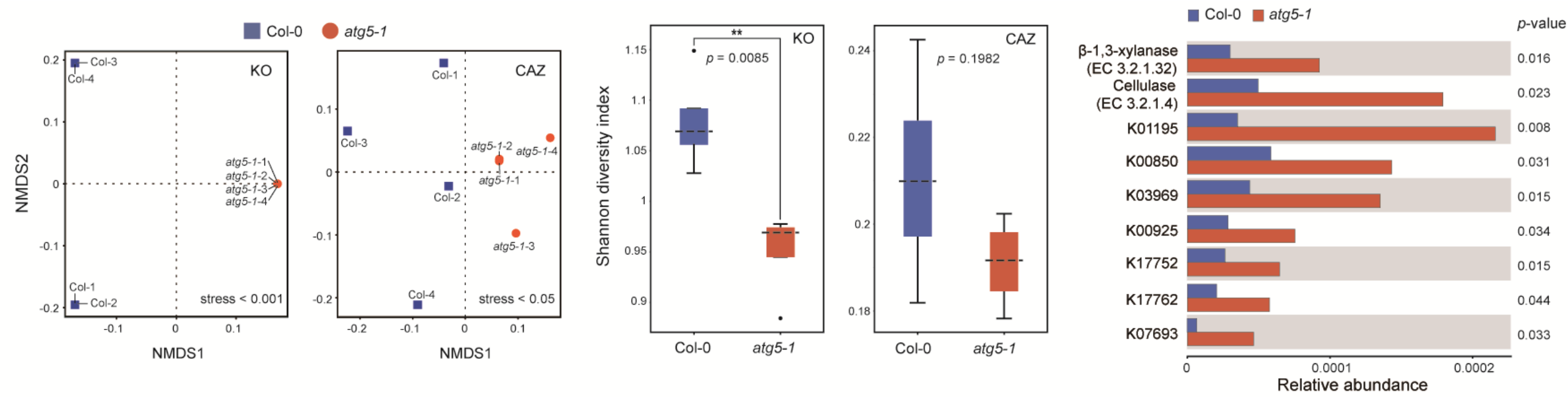


图2.自噬引起的根相关微生物组的功能变化



蛋白组分析

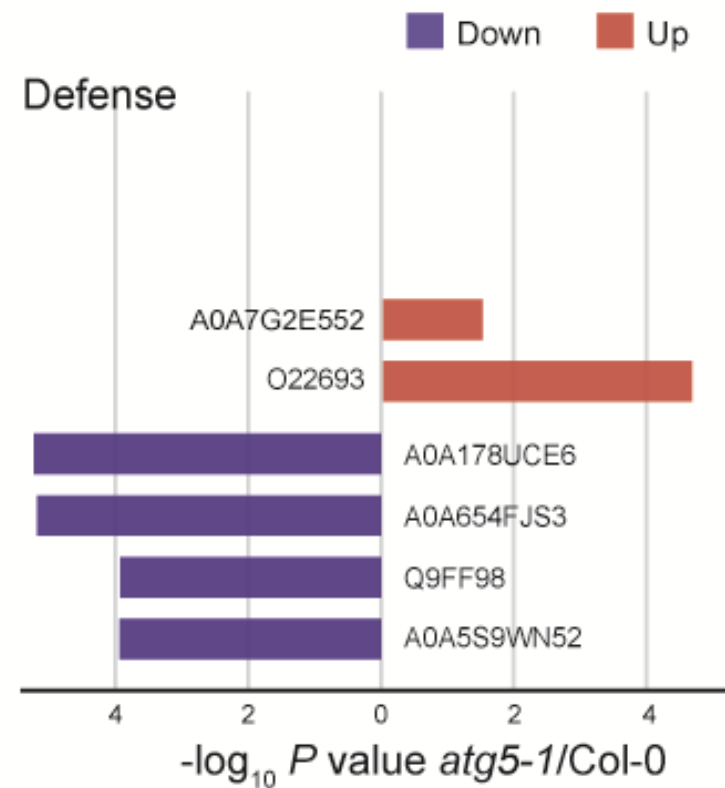
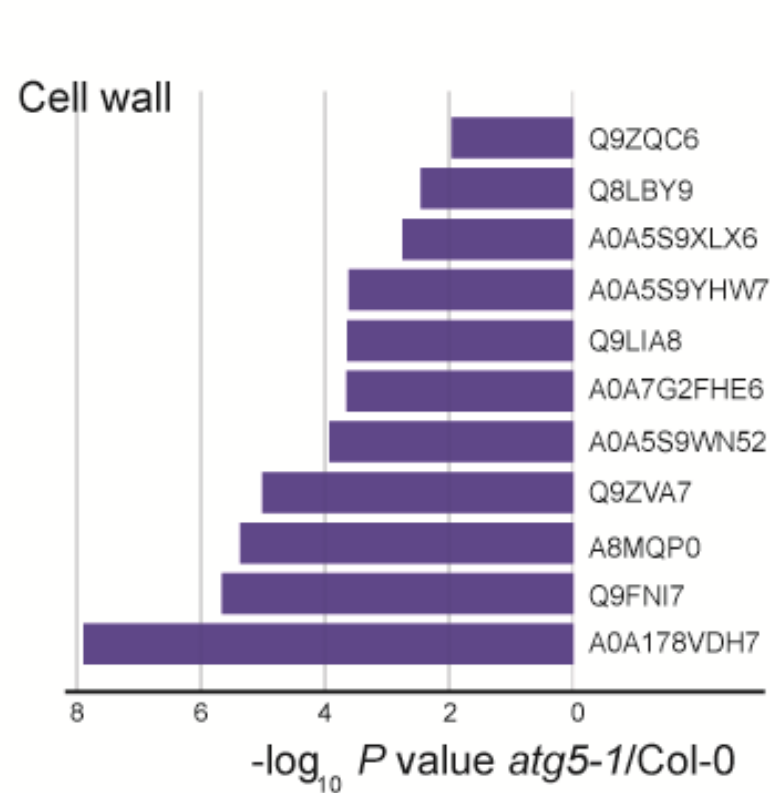
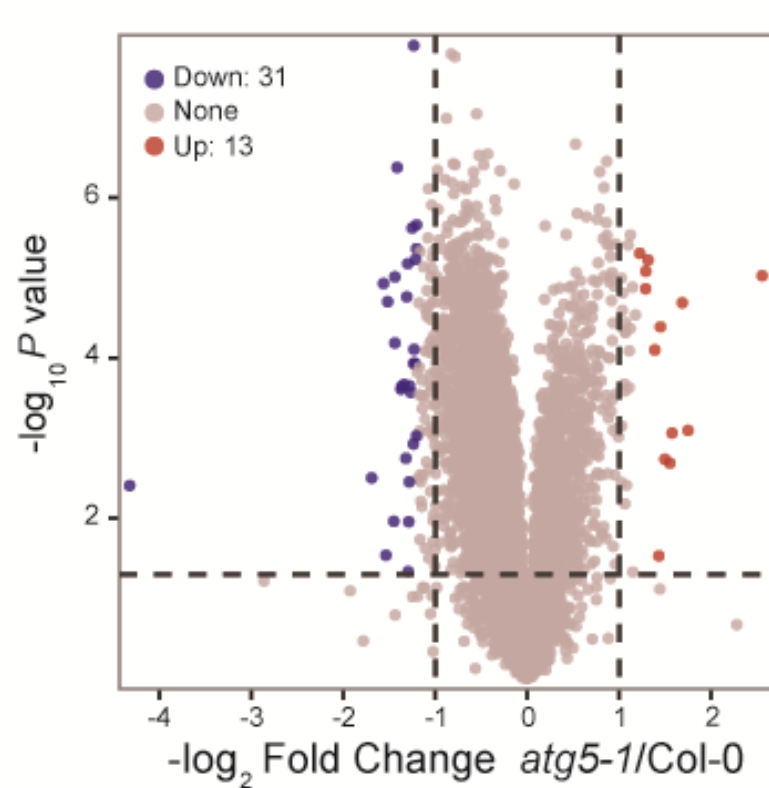


图3.根蛋白组强调自噬引起细胞壁和防御相关过程的变化



生理生化分析

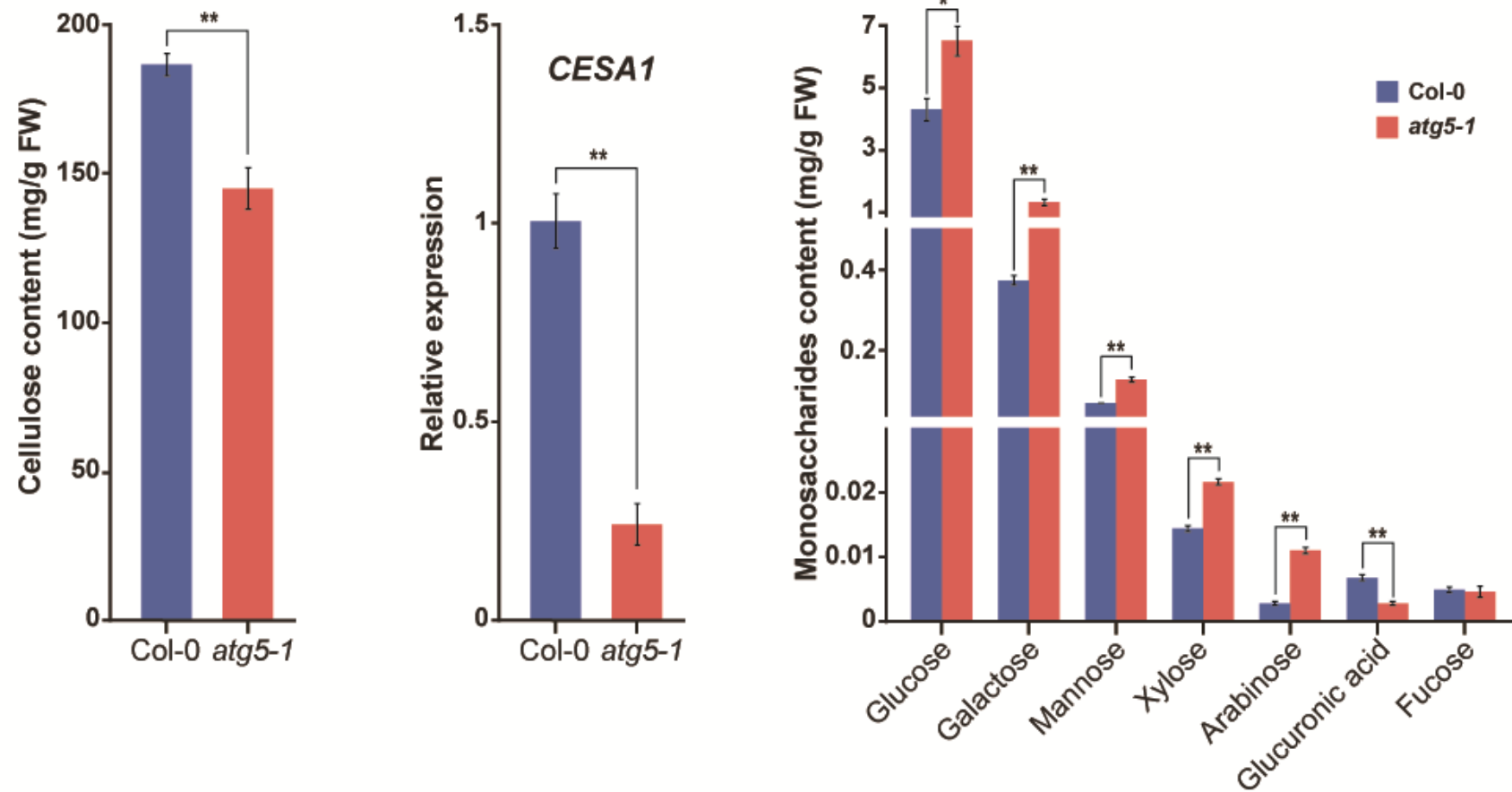


图4. 自噬的缺失引起细胞壁的改变



代谢组分析

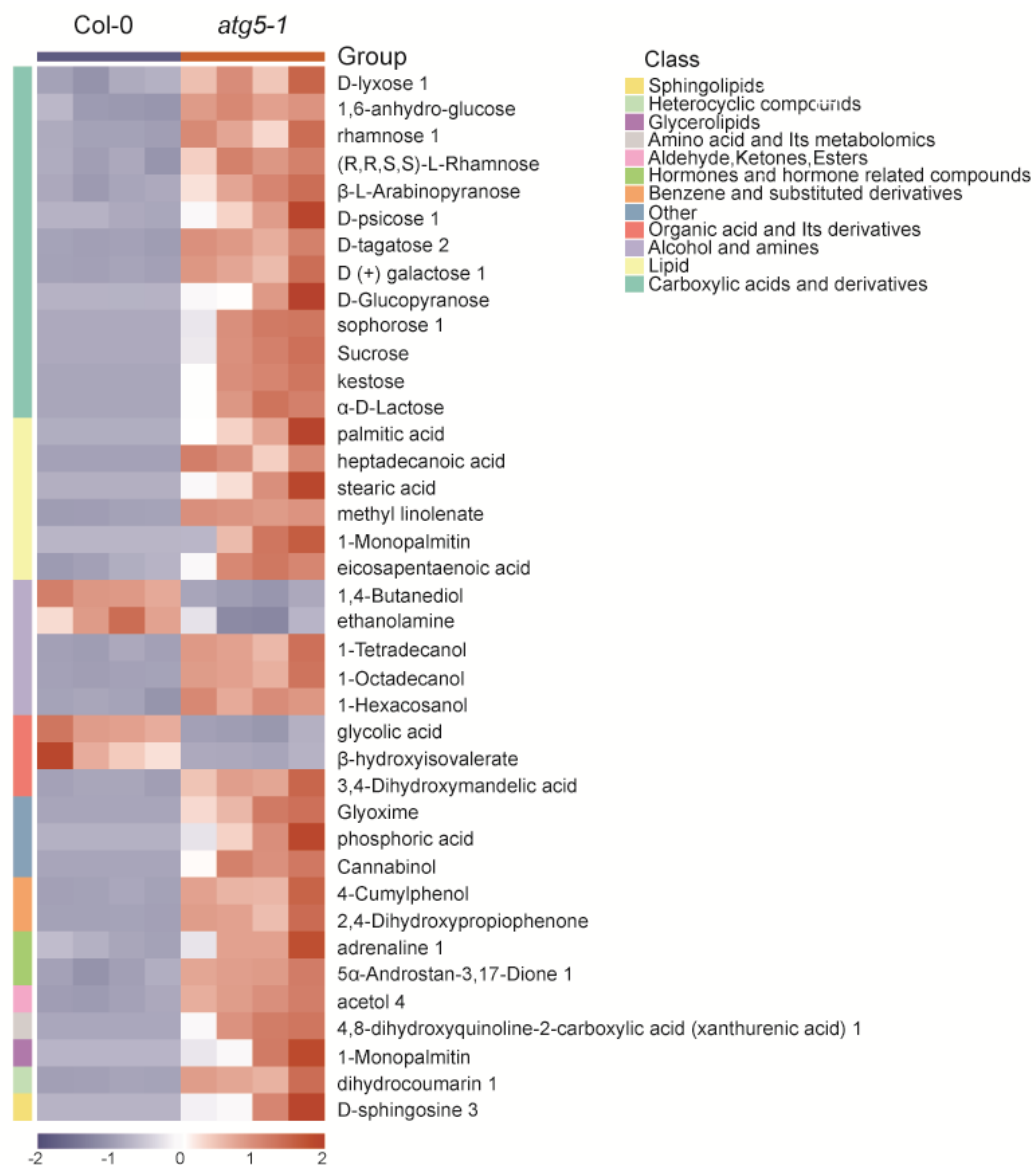
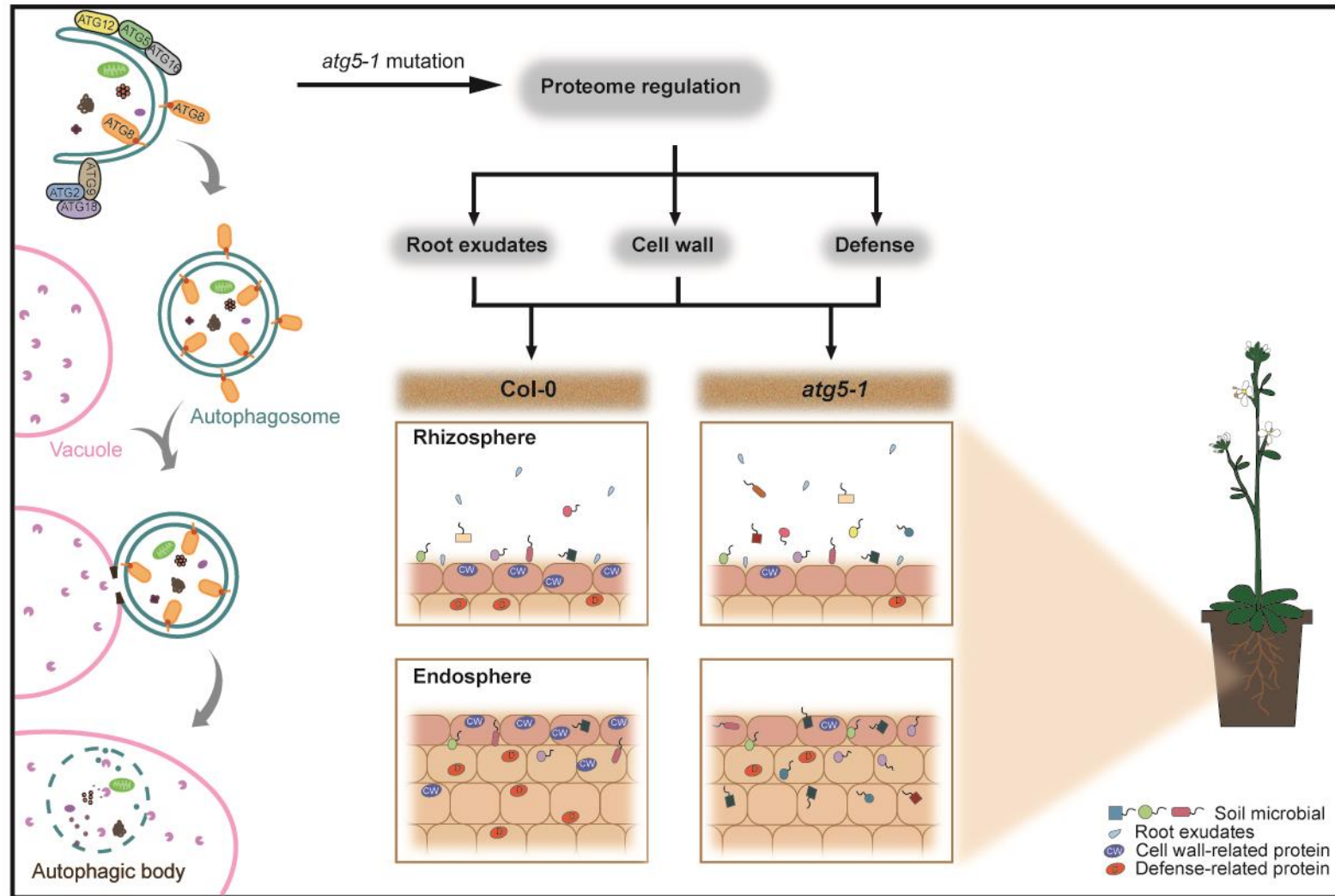
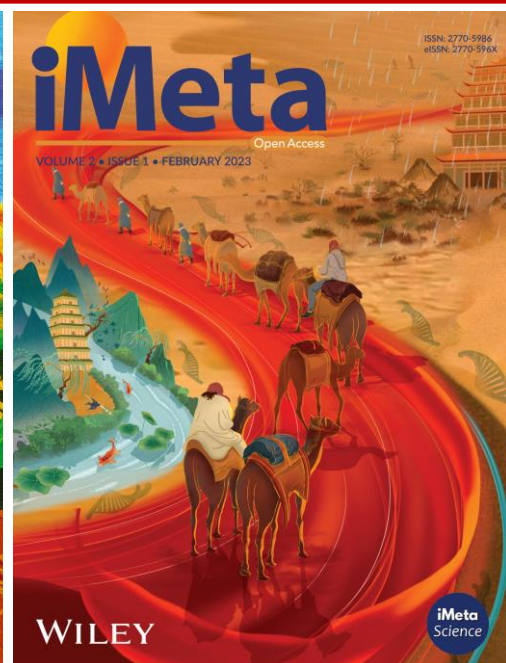
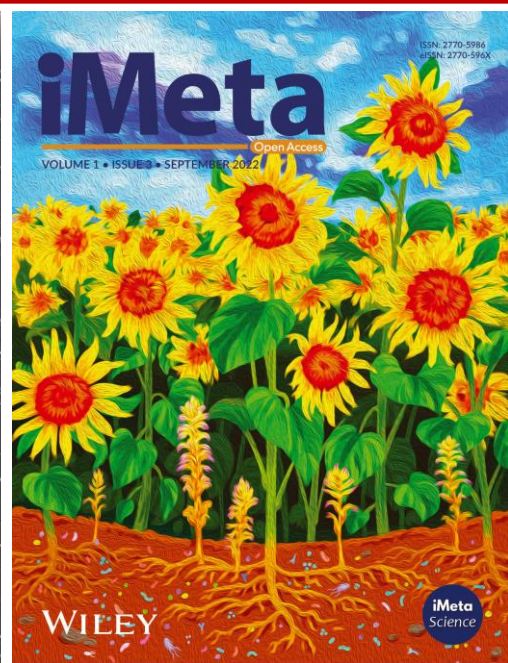


图5. 自噬的缺失改变了根系分泌物的组成

总结



Shan Cheng, Yunfeng Shi, Weiming Hu, Fen Liu. 2024. *Arabidopsis* multi-omics reveals the role of autophagy in root microbiome assembly. *iMetaOmics* 1: e28. <https://doi.org/10.1002/imo2.128>



“**iMeta**”(影响因子**23.7**)由威立、肠菌分会和数千名华人科学家出版的期刊，主编刘双江和傅静远教授。
收稿范围：任何领域高影响力的研究、方法和综述，重点关注微生物组、生物信息、大数据和多组学等；
影响力：[ESCI/WOS/JCR](#)、[PubMed](#)、[Google](#)、[Scopus](#)收录，**IF 23.7**位列微生物学研究期刊全球第一；
时效性：外审平均21天；投稿至发表中位数57天；
“**iMetaOmics**”主编赵方庆和于君教授，定位IF>10的高水平交叉学科综合期刊，欢迎投稿！



主页: <http://www.imeta.science>

出版社: <https://wileyonlinelibrary.com/journal/imeta>



投稿: <https://wiley.atyponrex.com/journal/IMT2>
<https://wiley.atyponrex.com/journal/IMO2>



office@imeta.science

imetaomics@imeta.science



宣传片



iMeta

