

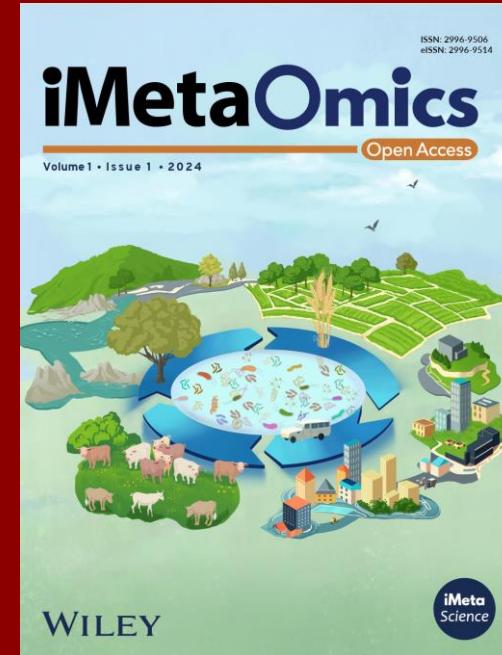


抗菌多肽开发中的见解： 一个多学科视角的观察

陈思哲^{1,2}, 苏奇^{1,2}

¹香港微生物菌群创新中心（MagIC），中国香港特别行政区

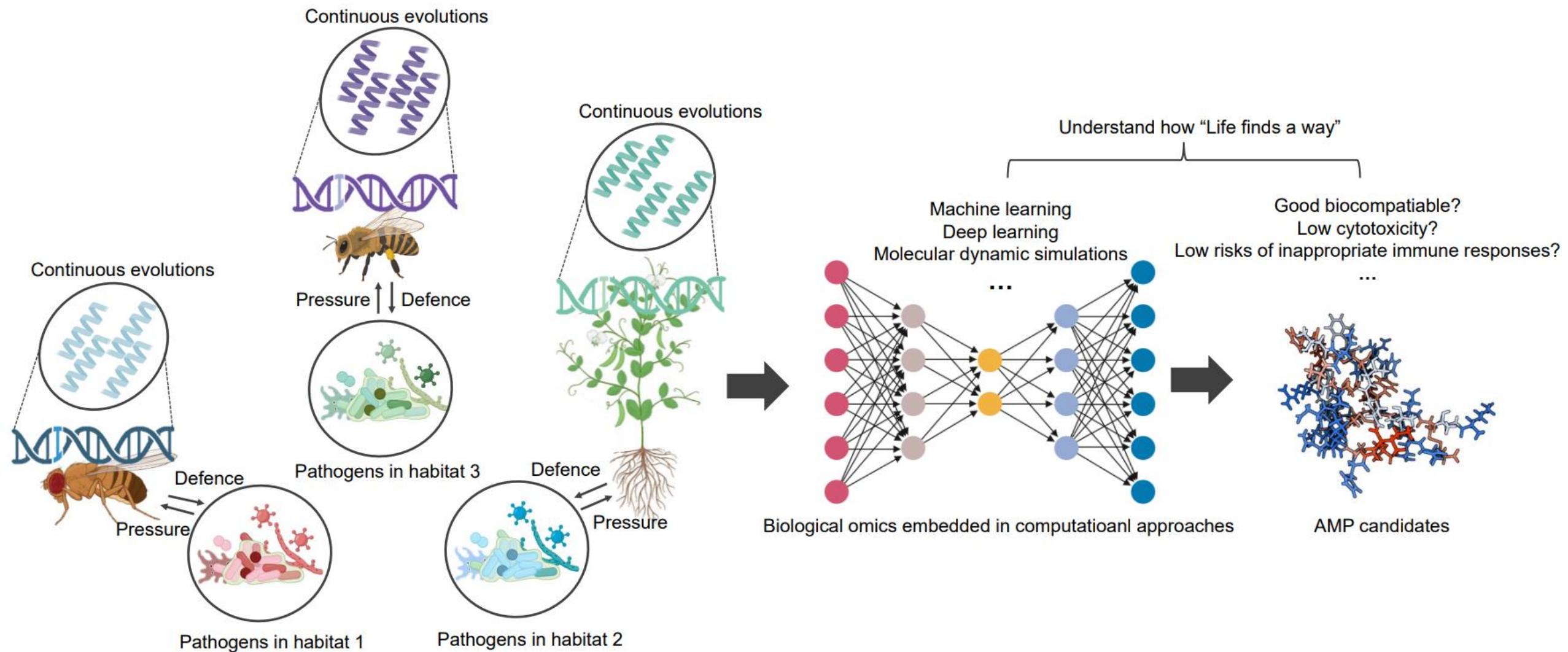
²香港特别行政区香港中文大学医学院医学及治疗学系，
中国香港特别行政区



Sizhe Chen, Qi Su. 2024. Insights into the identification of antimicrobial peptides: a multidisciplinary observation. *iMetaOmics* 1: e41. <https://doi.org/10.1002/imo2.41>

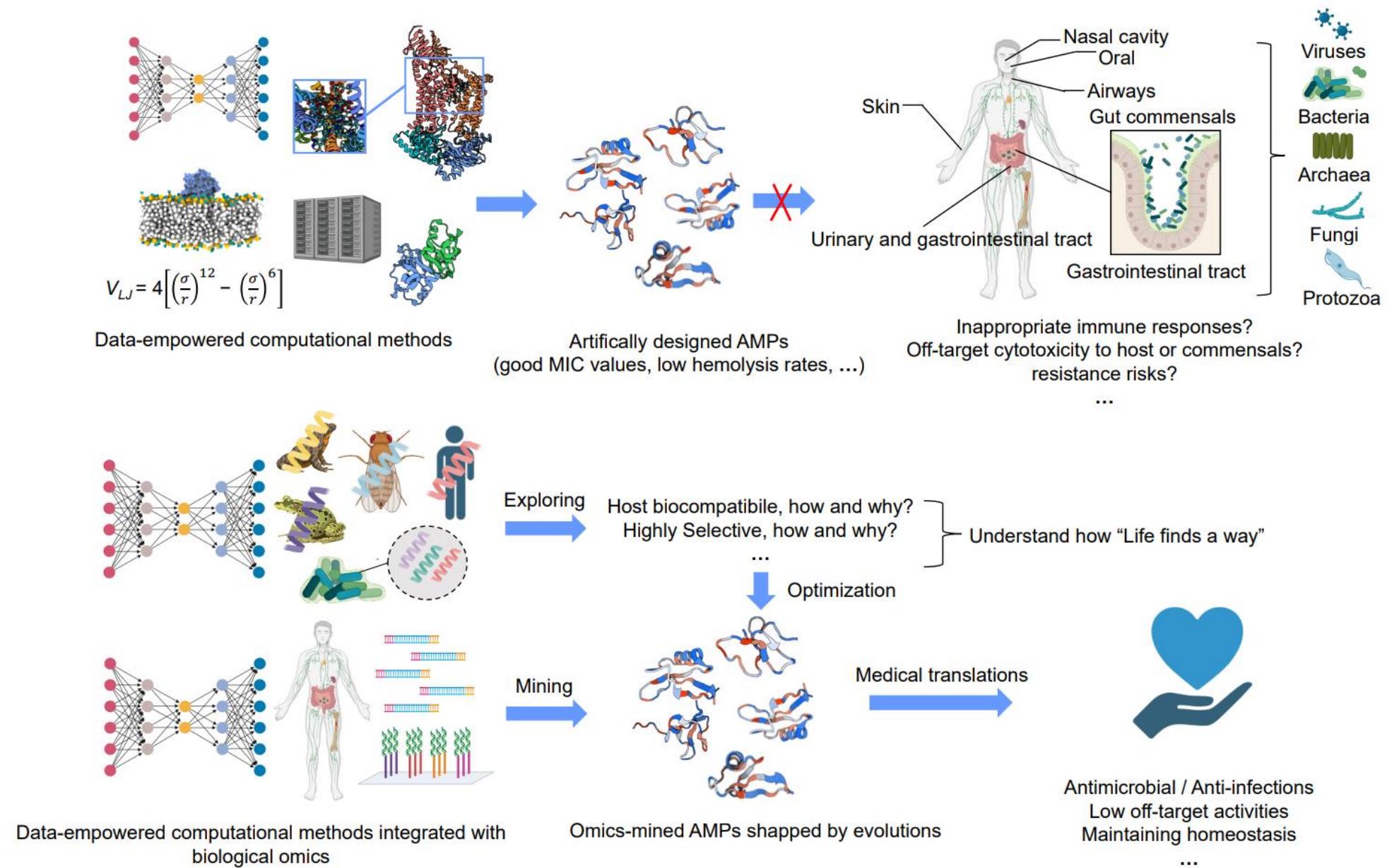


简介





文章主体内容及亮点





总结

- 抗菌肽是一种高度进化且高效的“武器”，是由微生物普遍选择的压力塑造的。
- 将多组学信息整合到基于计算的方法中是开发新型AMP候选药物的一种很有前途的策略。
- 洞察自然进化而来的抗菌肽背后的机制，代表了一种可以克服抗菌肽生物安全问题的有效策略。

Sizhe Chen, Qi Su. 2024. Insights into the identification of antimicrobial peptides: a multidisciplinary observation. *iMetaOmics* 1: e41. <https://doi.org/10.1002/imo2.41>



“*iMeta*”(影响因子**23.8**)由威立、宏科学和千名华人科学家出版的期刊，主编刘双江和傅静远教授。
收稿范围：任何领域高影响力的研究、方法和综述，重点关注生物技术、生物信息和微生物组等；
影响力：[SCIE/WOS](#)、[PubMed](#)、[Google](#)、[Scopus](#)收录，**IF 23.8位列JCR微生物学研究期刊全球第一**；
时效性：外审平均21天；投稿至发表中位数57天；
“*iMetaOmics*”主编赵方庆和于君教授，定位**IF>10**的高水平交叉学科综合期刊，欢迎投稿！

